Owi Agarose Molecular Grade – Low EEO

Fiche technique

Références : 258475E

POUR USAGE DE RECHERCHE UNIQUEMENT

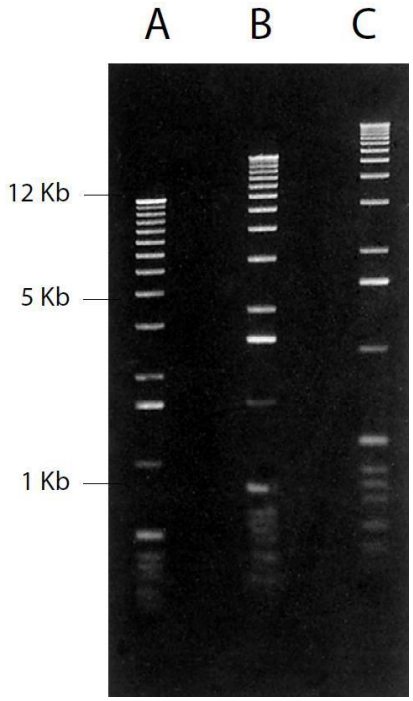
CONDITIONNEMENT : 500g / 10g

TEMPÉRATURE DE STOCKAGE : 2-25°C

DURÉE DE CONSERVATION : 48 Mois

DESCRIPTION DU PRODUIT :

Owi Agarose Molecular Grade – Low EEO est une agarose de grade biologie moléculaire à faible EEO (électroendosmose), conçue pour une migration optimale des acides nucléiques par électrophorèse et pour l'électrophorèse des protéines, pour des fragments allant de 0,1 kpb à 20 kpb.



SPÉCIFICATIONS DU PRODUIT :

Humidité : >10%
EEO : 0,05-0,13
Sulfates : >0,1%
Activité DNase/RNase : aucune détectée
Force du gel à 1 % (g/cm²) : > 1 200
Force du gel à 1,5 % (g/cm²) : > 2 500
Température de gélification (°C) : 36 ± 1,5
Température de fusion (°C) : 88 ± 1,5

COMPOSITION :

Agarose

PRÉCAUTION POUR UNE MANIPULATION EN TOUTE SECURITÉ :

1. Éviter les sources de chaleur et l'électricité statique pendant le stockage.
2. Utiliser des équipements de protection individuelle lors de l'utilisation du produit
    - Gants de protection
    - Lunettes de protection
    - Vêtements de travail

GUIDE DE L'UTILISATEUR :

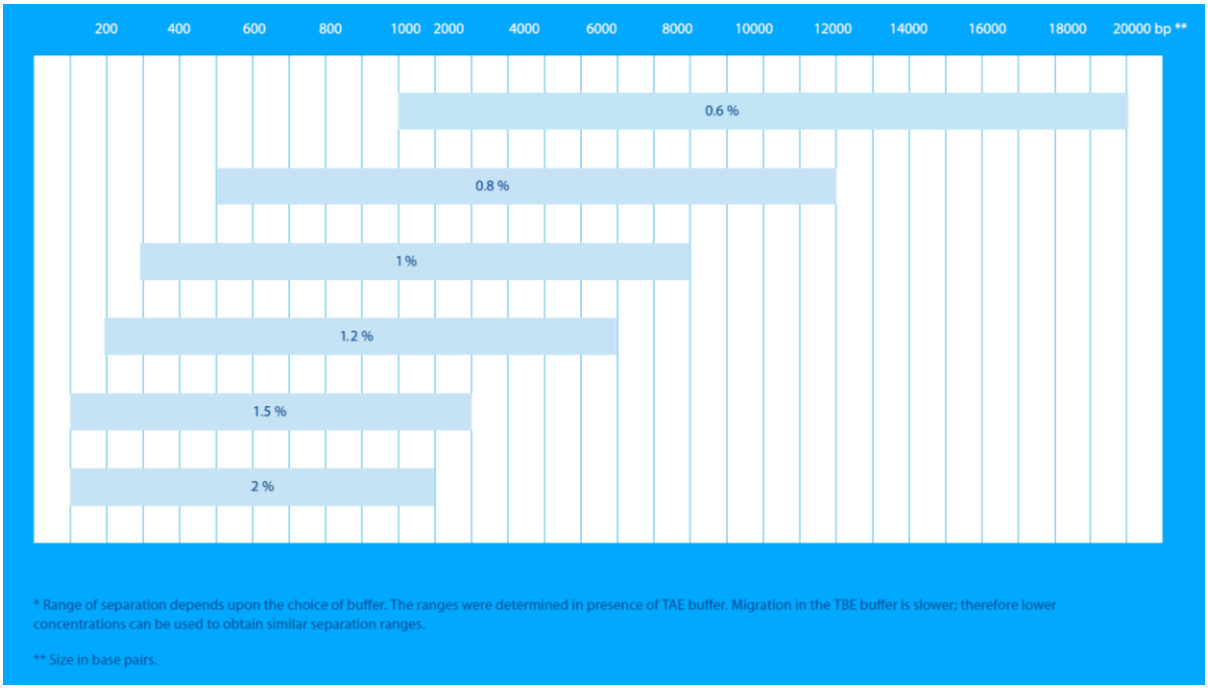
La concentration d'agarose recommandée pour la séparation des acides nucléiques peut varier entre 0,5 % et 4 %. Plus la concentration est élevée, plus les fragments d'acides nucléiques de petite taille peuvent être séparés.

Les tampons de migration contenant TAE 1X (Tris-Acétate-EDTA) ou TBE 0,5X ou 1X (Tris-Borate-EDTA) peuvent être utilisés en fonction de la taille des fragments d'ADN :

- TAE : recommandé pour la séparation des fragments longs (>10 kpb).
- TBE : recommandé pour la séparation des fragments courts (>1 kpb).

Pour une résolution optimale, une épaisseur de gel de 3 à 4 mm est recommandée.

PLAGE DE SÉPARATION POUR L'OWI AGAROSE MOLECULAR GRADE - LOW EEO



* Range of separation depends upon the choice of buffer. The ranges were determined in presence of TAE buffer. Migration in the TBE buffer is slower; therefore lower concentrations can be used to obtain similar separation ranges.

** Size in base pairs.