DNA-Veränderungsenzyme - T7-Endonuklease I

T7-Endonuklease I

- Strukturabhängiges Enzym, das nicht übereinstimmende DNA erkennt und spaltet, DNA-Heteroduplexe, DNA-Verzweigungsstrukturen, Holliday-Kreuzungen und Einkerbungen in der DNA
- Die Spaltung erfolgt an der ersten, zweiten oder dritten Phosphodiesterbindung 5' von der Fehlpaarung
- Hochreines rekombinantes Enzym

Mögliche Anwendungen:
- Erkennung von DNA-Fehlanpassungen, insbesondere im Rahmen der Genom-Editierung mittels der Crispr-Methode
- Auflösung von DNA-Verzweigungen mit 4 Zweigen
- Nachweis oder Spaltung von DNA-Heteroduplexen und Einkerbungen in der DNA
- Erhältlich in den Größen 250 und 1250 Einheiten

Art. Nr.	Bezeichnung	CHF
220300	T7 Endonuklease I, 250 U	AA -
220301	T7 Endonuklease I, 1250 U	AA -

Ergänzende Klonierungsreagenzien

Art. Nr.	Bezeichnung	Verpackung	CHF
091550	IPTG, molekularbiologischer Qualität min. 99%	500 mg	AA -
348507	IPTG ohne Dioxan Grad Molekularbiologie mind. 99%	5 g	AA -
348799	X-GAL Grad Biochemie min. 99 %	1 g	AA -

Gene Editing

Endonukleasen CRISPR/Cas9

- Endonukleasen für in vitro gRNA-Screening, in vitro gene knockout/ knockin, down/up regulation etc.
- Sehr hohe Spaltungseffizienz
- System ohne Zugabe von DNA
- Erfordert keine Transkriptions- und Übersetzungsschritte
- Existiert in verschiedenen Varianten (nukleare Lokalisierung, EGFP-Fusion)

Art. Nr.	Bezeichnung	Menge (µg)	Konzentration (mg/ml)	CHF
9976049	Crispr/Cas9	10	0,2	AA -
9976050		50 (5x10)	0,2	AA -
9976051	Crispr/Cas9-C-NLS mit nuklearem Lokalisierungssignal am C-Terminus	50	1	AA -
9976052		100	4	AA -
9976053	Crispr/Cas9-N-NLS mit nuklearem Lokalisierungssignal am N-Terminus	50	1	AA -
9976054		100	4	AA -

Art. Nr.	Bezeichnung	Menge (µg)	Konzentration (mg/ml)	CHF
9976055	Crispr/NLS-Cas9-NLS mit nuklearem Lokalisierungssignal am C- und N-Terminus	50	1	AA-
9976056		100	4	AA-
9976057	Crispr/NLS-Cas9-D10A Nickase mit nuklearem Lokalisierungssignal am N-Terminus	10	1	AA-
9976058		50	1	AA-
9976059		100	4	AA-
9976060	Crispr/NLS-Cas9-EGFP mit nuklearem Lokalisierungssignal am N-Terminus und EGFP-Sequenz am C-Terminus	50	1	AA-
9976061		100	3	AA-

Markierung von DNA

Amersham ECL Direct, Cytivas direktes Markierungs- und Detektionssystem für Southern und Northern Blotting

- Direkte Markierung von DNA- oder RNA-Sonden mit Meerrettichperoxidase (HRP) in nur 20 Minuten
- Die markierte Sonde kann ohne vorherige Reinigung an eine Membran hybridisiert werden
- Die verschiedenen Kits enthalten die notwendigen Reagenzien, um zwischen 5 und 10 µg DNA zu markieren sowie Sonden auf 2000 oder 4000 cm2 Membran zu hybridisieren und/oder nachzuweisen

NEU

Art. Nr.	Bezeichnung	Menge von Nukleinsäuren	CHF
RPN3000	Amersham ECL direct Kit für Direktmarkierung, Membranhybridisierung und Nachweis	5 µg	AA -
RPN3001	Amersham ECL direct Kit für Direktmarkierung, Membranhybridisierung und Nachweis	10 µg	AA -
RPN3005	Amersham ECL direct Kit für die direkte Markierung und Membranhybridisierung	5 µg	AA -
RPN3004	Amersham ECL-Direktkit zum Nachweis markierter Sonden	-	AA -
RPN2105	Amersham ECL-Direktkit zum Nachweis markierter Sonden	-	AA -

Amersham AlkPhos Direct™ Systeme direkte Markierung und Detektion Cytiva

Technik, die auf der direkten Markierung von DNA-Sonden basiert oder RNA mit einer hitzestabilen Alkaliphosphatase.
Diese markierte Sonde wird dann an das Ziel hybridisiert.

- Erkennung durch CDP-Star oder ECF möglich
- Verkürzung um 2 bis 3 Stunden im Vergleich zu herkömmlichen indirekten Methoden

Art. Nr.	Bezeichnung	Membranfläche	CHF
RPN3680	Alkphos direct labeling module	2500 cm²	AA -
RPN3682	CDP-star detection reagent	2500 cm²	AA -
RPN3685	ECF dectection module	2500 cm²	AA -
RPN3688	Alkphos direct hybridisation buffer	5000 cm²	AA -